Scoccia E.[1], Felici A. [1], Nigro M.E. [1], Barboni R. C. [2], Conti F. [3], Coppini M. [1], Duranti A. [1], Gobbi M. [1], Manuali E. [1], Mazzone P. [1], Morandi B. [1], Papa P. [1], Pezzotti G. [1], Picchio G. [1], Maresca C. [1]

Diffusione della bTB nei cinghiali nelle Marche: analisi spaziale

[1] Istituto Zooprofilattico Sperimentale dell'Umbria e delle Marche "Togo Rosati"
[2] Azienda Sanitaria Territoriale - Macerata [3] Prevenzione Veterinaria e Sicurezza Alimentare - Regione Marche

INTRODUZIONE

La tubercolosi bovina (bTB) è una malattia provocata principalmente dal complesso *Mycobacterium tuberculosis*. In provincia di Macerata lo stesso genotipo circola in bovini e cinghiali: un'interfaccia wildlife-livestock attiva.

Obiettivo: individuare le aree a maggior rischio di circolazione di bTB nei cinghiali nelle Marche, a supporto della sorveglianza e delle strategie di eradicazione.

MATERIALI E METODI

Dati utilizzati:

- Positività nei cinghiali
- Focolai di bTB negli allevamenti bovini
- Localizzazione dei pascoli
- Dati di sorveglianza dei cinghiali abbattuti e risultati positivi (ispezione post-mortem e/o analisi di laboratorio)

Fonti: SIGLA (IZSUM), SIMAN, BDN (Vetinfo).

Analisi A (2025)
Kernel Density Estimation: Concentrazione di positivi, raggio 5 km - 134 cinghiali considerati

↓

Analisi B (2021-2025)
Rischio comunale: Fattori → densità di positivi ogni 10 km² e persistenza annuale di bTB- 62 cinghiali considerati

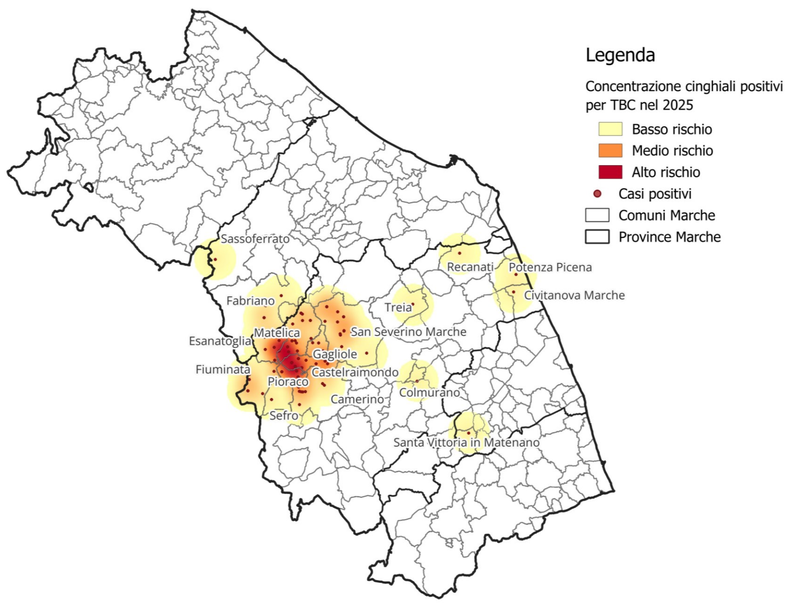
↓

Analisi congiunta

RISULTATI PRINCIPALI

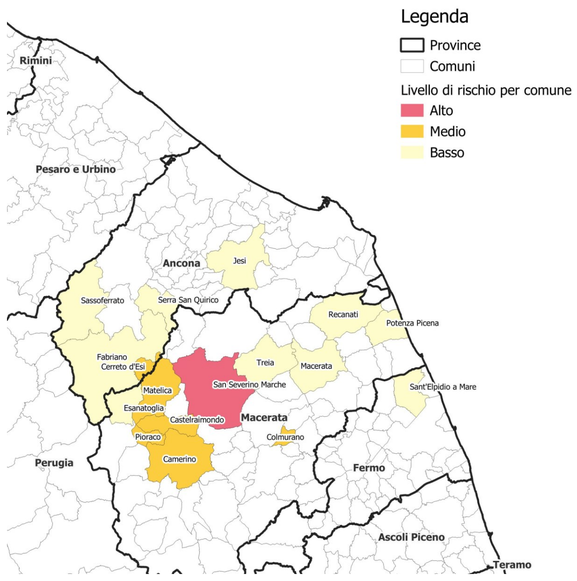
Di seguito le mappe prodotte dalle due analisi.

Analisi A: Hotspot 2025



8 comuni nella classe di medio o alto rischio (4 medio, 4 alto)

Analisi B: Rischio comunale 2021-25

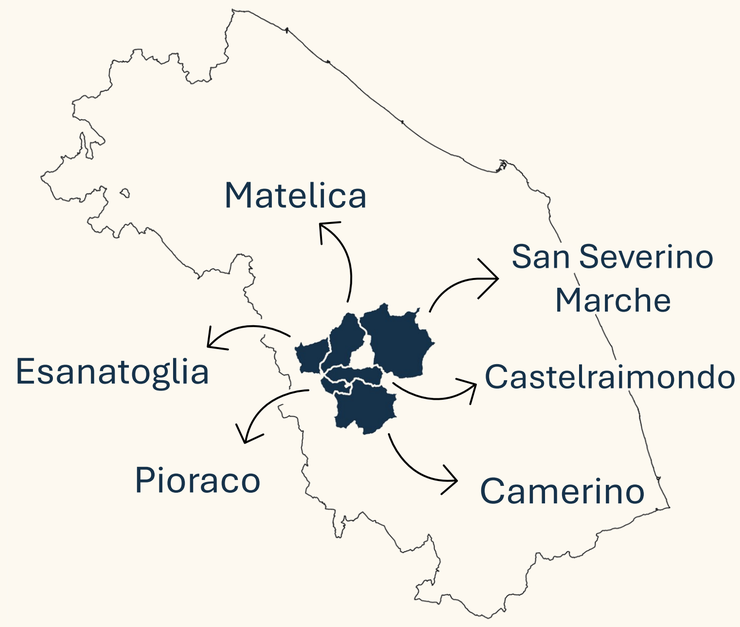


7 comuni nella classe di medio o alto rischio (6 medio, 1 alto)

Dal 2021 al 2026 (30/04) sono stati confermati 24 focolai bovini di bTB nelle Marche, il 71% (17/24) è situato nei comuni individuati dall'analisi B.

Analisi congiunta

Sovrapponendo le due analisi, 6 comuni (tutti in provincia di Macerata) risultano almeno a rischio medio in entrambe.



DISCUSSIONE

L'unione delle due analisi fornisce un valido strumento: da un lato gli hotspot di positività nel 2025, dall'altro il rischio comunale per densità di positività e persistenza dell'infezione nel tempo. La concordanza tra i risultati delle due analisi rafforza l'identificazione delle aree a maggiore rischio di circolazione della bTB.



Opera rilasciata con licenza Creative Commons Attribuzione 4.0 Internazionale.